

个人简介

申远，女，1985年3月出生，2014年6月毕业于法国巴黎十一大（University of Paris Sud XI）分子遗传学专业表观遗传学方向，获理学博士学位。硕士研究生导师，主要从事药用植物分子生物学的教学科研工作，研究方向为药用植物次生代谢产物合成途径的分子调控。主持国家自然基金1项，新乡医学院海外高层次人才启动基金1项，获新乡医学院太行青年学者称号。在国际权威杂志 Trends in Plant Science, Plant Cell, Plant Journal 等发表研究论文11篇。



联系方式

新乡医学院南校区老实验楼药学院 306

电话：0373-3831981

E-mail: s.y0001@163.com

研究方向

- ✓ 药用植物分子生物学：金银花、红花等药用植物次生代谢产物合成途径的分子调控
- ✓ 肿瘤表观遗传学：DNA 甲基化和组蛋白修饰调控基因表达

招生方向

- ✓ 学术学位硕士（学硕）：生药学
- ✓ 专业学位硕士（专硕）：药物研发与转化、临床药学与应用

教育经历

- ✓ 2010/09-2014/06，法国巴黎十一大，生命科学学院，分子遗传学专业，理学博士
- ✓ 2007/09-2010/06，北京师范大学，生命科学学院，细胞生物学专业，理学硕士
- ✓ 2003/09-2007/06，河南师范大学，生命科学学院，生物技术专业，理学学士

工作经历

- ✓ 2014/07-2016/8，法国科学院，萨克雷研究中心，博士后研究员
- ✓ 2016/9-至今，新乡医学院，药学院

承担项目

- ✓ 国家自然科学基金委员会，青年基金项目，31500982，拟南芥组蛋白 H3K4 去甲基化酶在植物逆境胁迫应答过程中的功能研究，2016-01 至 2018-12，22.428 万，已结题，主持；
- ✓ 新乡医学院，高层次人才启动项目，表观遗传调控对个体发育和胁迫响应的作用，2017.1-2021.12，150 万，在研，主持。

代表性论文

- ✓ Shi L*, Chi Y, Lu G, Shen X, **Shen Y***. Intraflagellar Transport 80 Is Required for Cilia Construction and Maintenance in Paramecium tetraurelia. *J Eukaryot Microbiol.* 2020, DOI: 10.1111/jeu.12799. (IF=2.361)
- ✓ **Shen Y#**, Lei T#, Cui X, Liu X, Zhou S, Zheng Y, Guerard F, Issakidis-Bourguet E, Zhou DX*. Arabidopsis histone deacetylase HDA15 directly represses plant response to elevated ambient temperature. *Plant J.* 2019, 100(5):991-1006. (IF=5.726)
- ✓ Shi L*, Shi X, **Shen Y***. Intraflagellar transport 46 (IFT46) is essential for trafficking IFT proteins between cilia and cytoplasm in Paramecium. *Sci Rep.* 2018, 8 (1):9259 (IF=4.122).
- ✓ Audonnet L, **Shen Y**, Zhou DX*. JMJ24 antagonizes histone H3K9 demethylase IBM1/JMJ25 function and interacts with RNAi pathways for gene silencing. *Gene Expr Patterns.* 2017, 25-26, 1. (IF=1.158)
- ✓ **Shen Y**, Issakidis-Bourguet E, Zhou DX*. Perspectives on the interactions between metabolism, redox, and epigenetics in plants. *J Exp Bot.* 2016, 67 (18): 5291-5300. (IF=5.677)
- ✓ **Shen Y**, Wei W, Zhou DX*. Histone Acetylation Enzymes Coordinate Metabolism and Gene Expression. *Trends Plant Sci.* 2015, 20(10):614-621. (IF=10.899)
- ✓ **Shen Y**, Devic M, Lepiniec L, Zhou DX*. Chromodomain, Helicase and DNA-binding CHD1 protein, CHR5, are involved in establishing active chromatin state of seed maturation genes. *Plant Biotechnol J.* 2015, 13 (6): 811-820. (IF=6.09)
- ✓ **Shen Y**, Conde E Silva N, Audonnet L, Servet C, Wei W, Zhou DX*. Over-expression of histone H3K4 demethylase gene JMJ15 enhances salt tolerance in Arabidopsis. *Front Plant Sci.* 2014, 5:290. (IF=3.948)
- ✓ Hu Y, **Shen Y**, Conde E Silva N, Zhou DX*. The role of histone methylation and H2A.Z occupancy during rapid activation of ethylene responsive genes. *PLoS One.* 2011, 6(11):e28224. (IF=4.092)
- ✓ Li Y, **Shen Y**, Cai C, Zhong C, Zhu L, Yuan M, Ren H*. The type II Arabidopsis formin14 interacts with microtubules and microfilaments to regulate cell division. *Plant Cell.* 2010, 22(8):2710-2726. (IF=9.293)
- ✓ Cai C, Li Y, **Shen Y**, Ren H*. Cortical microtubule labeling: insight of AFH14 in non-dividing cells. *Plant Signal Behav.* 2010, 5(12):1619-22.